

## **Ταυτοποίηση Μελισσών που Χρησιμοποιούνται για Αναπαραγωγή στην Ελλάδα με τη Χρήση Μοριακών Δεικτών**

Παύλος Βούλγαρης<sup>1\*</sup>, Φανή Χατζήνα<sup>2</sup>, Ελένη Πάνου<sup>1</sup>, Χριστίνα Εμμανουήλ<sup>3</sup>, Μαρία Μπουγά<sup>1</sup>, Νικόλαος Εμμανουήλ<sup>1</sup>

<sup>1</sup> Εργαστήριο Γεωργικής Ζωολογίας & Εντομολογίας, Γεωπονικό Πανεπιστήμιο Αθηνών

<sup>2</sup> Τμήμα Μελισσοκομίας - Ινστιτούτο Επιστήμης Ζωικής Παραγωγής, ΕΛΓΟ «ΔΗΜΗΤΡΑ»

<sup>3</sup> Τμήμα Μηχανικών Χωροταξίας και Ανάπτυξης, Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο, Θεσσαλονίκης

Η γνώση της γενετικής προέλευσης των μελισσών είναι πολύ σημαντική για την αναπαραγωγή και επιλογή βασιλισσών στη βασιλοτροφία. Στην παρούσα έρευνα πραγματοποιήθηκε συλλογή δειγμάτων μελισσών (*Apis mellifera*) που χρησιμοποιούνται στη βασιλοτροφία, από βασιλοτρόφους διαφορετικών περιοχών της Ελλάδας, στα οποία έγινε γενετική ανάλυση με τη μέθοδο προσδιορισμού της νουκλεοτιδικής αλληλουχίας (sequencing) του μιτοχονδριακού γονιδιακού τμήματος COI (κυτοχρωμική οξειδάση 1) με σκοπό τον προσδιορισμό της γενετικής προέλευσής τους. Τα αποτελέσματα έδειξαν την παρουσία 33 απλοτύπων από τις περιοχές δειγματοληψίας και την ταξινόμησή τους σε 5 διακριτές ομάδες διαχωρισμένες με βάση την διάταξη των πολυμορφισμών στο συγκεκριμένο γονιδιακό τμήμα του μιτοχονδριακού DNA. Τα δεδομένα αυτά θα συμβάλουν στη γνώση των πληθυσμών μελισσών που αξιοποιούνται στη βασιλοτροφία στη χώρα μας.